

# 中国畜牧兽医学会

牧医学发(2020)第1号

## 关于2020中国草食动物科技大会 暨中国畜牧兽医学会2020年学术年会征文的通知

各省(自治区、直辖市)畜牧兽医学会、各学科分会、杂志编辑部、各团体会员单位、各有关单位、会员:

每年一届的中国畜牧兽医学会学术年会在各大专院校、科研院所等相关单位的关注、支持和广大畜牧兽医科技工作者、青年学者的热心参与下,已成为我国畜牧兽医学术界规格高、影响大的学术交流活动,更是广大畜牧兽医科技工作者展示最新科研技术与成果,交流、互动、启迪共进的重要平台,在推动我国畜牧兽医科技创新、学科繁荣、人才培养和产业发展中发挥了十分积极的作用。

2018年以来,由于众所周知的原因,我国居民的肉类消费结构逐步改变,对牛、羊等草食动物产品的需求量不断增加,对肉、奶品质的要求也越来越高,发展草食动物产业是保障有效供给、缓解粮食供求矛盾、扶贫助农、推进农业现代化的有效途径。为此,中国畜牧兽医学会决定以“环境·效率·健康”为主题,于2020年8月在吉林省长春市召开2020中国草食动物科技大会暨中国畜牧兽医学会2020年学术年会。

大会将围绕牛、羊、马及马属动物、兔和其他草食动物的遗传育种与繁殖、营养与饲料、疾病防治、养殖生产、环境控制、动物福利等科研和生产实践的新见解和新成果开展研讨与交流。

中国畜牧兽医学会养羊分会2020年全国养羊生产与学术研讨会、养兔学分会第二次全国会员代表大会暨第三次学术交流会、马学分会二届二次理事会暨2020马及马属动物科学学术交流会、养牛学分会八届三次理事会等将同期举行。

现在开始大会征文,诚邀畜牧兽医相关学科领域的科技工作者积极投稿!

### 一、大会组织机构

1. 主办单位:中国畜牧兽医学会

2. 协办分会：养羊学分会、养兔学分会、马学分会、养牛学分会
3. 支持分会：动物遗传育种学分会、动物营养学分会、兽医内科与临床诊疗学分会、兽医外科学分会、动物传染病学分会、口蹄疫学分会等相关分会
4. 承办单位：吉林省农业科学院、北京博亚和讯农牧技术有限公司

## 二、年会主题

环境·效率·健康

## 三、征文的具体要求

### 1. 征文内容

2020 中国草食动物科技大会暨中国畜牧兽医学会 2020 年学术年会将围绕“环境·效率·健康”主题，研讨和交流新理论和新技术。大会主要设立牛业科学、羊业科学、马及马属动物科学、兔业科学和其他草食动物科学五个专题。征文包括遗传育种与繁殖、营养与饲料、疾病防治、养殖生产、环境控制以及动物福利等其他相关内容。文章内容应体现科学性、创新性、实践性、应用性以及指导性。

### 2. 征文范围

尚未正式发表的科研论文、专题报告、调查报告及文献综述等。

### 3. 投稿要求

(1) 请提交论文详细摘要，不接收全文。

(2) 论文摘要包括：题目、作者（多个作者由逗号隔开）、单位（单位名称、省市、邮政编码）、正文、主要参考文献（不超过 5 篇）。

(3) 论文摘要的正文需包括引言/目的、材料与方法、结果与讨论等，重在表述结果。

(4) 论文摘要的正文字数为 600~800 字，无图表。请保证字数，避免因篇幅过短而被退稿。

(5) WORD 版本详细摘要排版要求：论文题目用 4 号黑体，作者、单位及邮编用 5 号楷体，正文用 5 号宋体，其中正文中的标题用黑体；WORD 文档，使用 A4 纸，排版不超过 1 页（页面设置请用 WORD 默认，上下 2.54 厘米，左右 3.17 厘米，固定行距 18 磅），请不要使用双栏或者多栏排版。

(6) 征文截止时间：2020 年 6 月 15 日。

### 4. 提交方式

请进入大会网站 <http://2020chsc.bomeeting.net> 注册成功后，进入网站首页

或登录个人中心点击“网上论文投稿”按提示提交论文详细摘要，在线提交详细摘要的同时，请务必在“全文附件”处上传“详细摘要”的WORD版本（注意要与在线提交的完全相同），以便在编录论文集时校对使用。

## 5. 论文接受及评选

征文截止后，大会学术委员会将组织专家审稿，审稿结果有以下三种：

(1) 分会场口头报告：即论文摘要将刊登在大会论文集上并推荐做分会场报告，并入围中国畜牧兽医学会奖——优秀论文奖的评选。为了鼓励论文作者参会并做报告交流，优秀论文奖仅在各分会场现场报告人中评选，并在闭幕式上颁奖。

(2) 壁报交流：即论文摘要将刊登在大会论文集上，可以在大会会场做壁报展示，并入围大会优秀壁报奖的评选。为了鼓励论文作者参会并做现场壁报交流，优秀壁报奖仅在现场展出壁报中评选，并在闭幕式上颁奖。

由于现场壁报场地有限，作者收到壁报交流接受函后，请发电子邮件到 [caav2007@163.com](mailto:caav2007@163.com) 确认做壁报，未确认做壁报交流的论文壁报板将不被保留。

(3) 不录用：即退稿。

审稿结果会以 E-mail 通知，并在论文提交系统中进行反馈（如在 2020 年 7 月 15 日前作者还未接到电子邮件通知，请及时登录论文提交系统浏览反馈结果）。请作者在论文截止后关注会议网站和注册邮箱。

会议详细日程请关注大会网站。

## 6. 征文的其他注意事项

(1) 年会将编印论文集。会后论文集将进入 CNKI 数字图书馆中国重要会议论文数据库（不希望论文上网的作者请在提交论文时，请发电子邮件到 [caav2007@163.com](mailto:caav2007@163.com)，邮件主题是不进 CNKI，邮件内容中点名会议名称，论文题目、论文号码和作者）。入选论文摘要每篇赠送 2 张 CNKI 检索卡（50 元/张）作为上网稿酬。

(2) 为鼓励作者参会，会上还将向参会的论文作者颁发中国畜牧兽医学会论文交流证书。

## 四、百名学生（在读研究生）免费参计划

从 2004 年始，学会每年均邀请全国各有关院校、科研院所的在校研究生免费参加年会的各项活动，受到青年学者的欢迎及导师的好评。2020 中国草食动物科技大会暨中国畜牧兽医学会 2020 年学术年会将继续坚持这一做法，拟在投稿的研究生中挑选 100 名免费参加会议。年会活动为学界和业界的交流、融合提供了一个相互了解、互动的舞台，热切欢迎各院校、科研院（所）的优秀学生积极申请！

电 话：010-82893959 E-mail: meeting@boyar.cn

### 3. 团体会员单位参会咨询

科技咨询部：颜海燕（010-62125896）张高霞（010-62125686）郭自干（010-62110970）

### 4. 赞助、会务咨询

吉林省农业科学院：王春昕（13089224552, wxjlsnky@163.com）  
马惠海（13756292797, mh2pc2013@163.com）曹阳（15944482266）

六、其他参会信息请见大会网站 <http://2020chsc.bomeeting.net> 或下一轮通知。

附件一：详细摘要模板

附件二：在读硕士、博士生免费参会申请表





## 附件一：详细摘要模板

### 4 个山羊品种 *GDF9*、*BMP15* 和 *FSHR* 基因的多态性分析\*

孟丽娜<sup>1\*\*</sup>, 孙洪新<sup>2</sup>, 张英杰<sup>1\*\*\*</sup>, 刘月琴<sup>1</sup>, 李婷<sup>1</sup>

(1.河北农业大学动物科技学院, 河北保定 071000; 2.河北省畜牧兽医研究所, 河北保定 071000)

#### 引言/目的

生长分化因子 9 (*GDF9*) 基因和骨形态发生蛋白 (*BMP15*) 基因均由卵母细胞分泌, 对早期卵母细胞分化和生长有重要的调节作用。促卵泡受体 (*FSHR*) 属 G 蛋白偶联受体超家族中的糖蛋白亚家族成员, 调控动物繁殖活动。一些研究表明 *GDF9*、*BMP15*、*FSHR* 这 3 个基因的突变或失活都有可能影响动物繁殖性状。因此本研究以高繁 (美姑黑山羊和河南槐山羊) 和低繁 (河北绒山羊和承德黑山羊) 山羊品种为研究对象, 采用 PCR-RFLP 和 PCR-SSCP 这 2 种方法分析这 3 个基因的多态性, 旨在探讨这 3 个基因与山羊繁殖性状相关性, 为山羊的多胎性状研究提供理论依据。

#### 材料与方法

采集具有第 1、2 胎产羔数记录的母山羊血样及配种用的公山羊血样。提取 DNA 后进行 PCR 扩增, 利用 RFLP 和 SSCP 进行基因分型。针对每对引物, 各品种随机选择 2~3 个样品进行克隆测序。采用 SPSS 17.0 软件对基因频率、基因型频率和卡方独立性检验进行分析。采用 POPGene32 软件对 *FSHR* 基因进行 Hardy-Weinberg 平衡检验以及遗传多样性参数杂合度 (*He*)、纯合度 (*Ho*)、有效等位基因数 (*Ne*) 和多态信息含量 (*PIC*) 分析。

#### 结果

在 4 个山羊品种中未检测到 *GDF9*、*BMP15* 的突变位点; *FSHR* 基因出现 3 种基因型 HH、HK、KK, 存在 1 处突变位点 (1 568 bp 处, C→G), 河南槐山羊 Hardy-Weinberg 不平衡, 且为中度多态。表明检测的 *FSHR* 基因在 4 个山羊品种中存在多态性。

#### 讨论

*GDF9* 与 *BMP15* 等生长因子都对山羊的繁殖活动有着一定的调控能力, 影响卵泡的生长、发育, 并且会抑制黄体细胞中孕酮的生成, 在本文的研究中这 2 个基因没有检测到多态性, 是否与山羊的繁殖力无关还需进一步研究。

本研究发现了 *FSHR* 基因 3 个基因型: HH、HK、KK。高繁山羊与低繁山羊之间基因型分布差异显著或极显著, 而低繁与低繁山羊之间和高繁与高繁山羊之间差异不显著, 说明不同基因型的分布差异在高繁和低繁山羊之间比较明显。

#### 参考文献

- [1] 葛燕, 赵中权, 王鲜忠, 等. 4 个南方山羊品种 *BMP15* 和 *GDF9* 基因的 RFLP 分析[J]. 黑龙江畜牧兽医, 2009(2):31-33.
- [2] Hanrahan J P, Gregan S M, Mulsant P, et al. Mutation in the genes for oocyte-derived growth factor *GDF9* and *BMP15* are associated with both increased ovulation rate and sterility in Cambridge and Belclare sheep (ovis aries) [J]. Biology Reproduction, 2004, 70:900-909.
- [3] 何远清, 储明星, 王金玉, 等. 山羊高繁殖力候选基因 *GDF9* 的 RFLP 分析[J]. 农业生物技术学报, 2006, 14(1):135-136.

\*基金项目: 国家现代肉羊产业技术体系建设项目(CARS-39).

\*\*作者简介: 孟丽娜 (1986-), 女, 河北邯郸人. E-mail: mengln@126.com

\*\*\*通讯作者: 张英杰 (1964-), 男, 河北黄骅人, 教授, 博士, 博士生导师, E-mail: zhangyingjie66@126.com

附件二

## 在读硕士、博士生免费参会申请表

每表一人，复印有效。

姓 名		性 别		居民身份证号	
在读院校				攻读学位	<input type="checkbox"/> 硕士 <input type="checkbox"/> 博士
专 业			研究方向		
联系地址	(如地址与院校不一致, 请在备注中说明)				
邮政编码		E-mail	(请与会议系统注册的 E-mail 一致)		
电 话	(区号)		手 机	(为方便联系, 请务必填写)	
导师姓名				导师电话	
提交论文题目和论文号	(务必填写)				
如未获得免费参会名额是否能够参会			<input type="checkbox"/> 是	<input type="checkbox"/> 否	
导师推荐意见 (请详细填写, 可另附页):					
导师签字:					
备 注					

1. 研究生的申请资格: 必须是全日制在校硕士或博士研究生 (在职研究生除外)。2021年毕业的研究生优先。申请免费参会的学生至少投一篇论文, 且为论文第一作者。

2. 请研究生注册时, 将学生证复印件 (包括学生信息页和注册页做成一个 PDF 文件, 两者缺一不可) 上传到网站; 投稿时, 将导师签字的“免费参会申请表” PDF 文件和无导师签字的本表 WORD 文档的压缩包上传到网站。注意同一个导师只能推荐两位学生申请免费参会。

3. 申请截止日期为 2020 年 6 月 15 日, 以网站上传复印件、论文任意文件的最迟时间为准, 任何一个文件过期上传将不能通过形式审查。

4. 申请获得批准与否, 学会将在论文评审后将名单和免费参会须知公布在会议网站上或发电子邮件通知。

5. 联系人: 申凌 石娟 电话: 010-85959006 85959010